

ご好評につき、期間延長！

Stereo-seq™ FFPE

ローンチ キャンペーン

2025 年

12/26 (金)

受注分まで

通常希望価格

1,600,000

円



992,000

円 (税込)

Stereo-seq FFPE :

空間トランスクリプトーム解析におけるStereo-seq の利点である高解像度かつ広い解析エリアはそのままに、FFPE 組織切片の解析が可能になりました。

新たに開発されたStereo-seq FFPE 用チップは、位置情報バーコードと効率よく RNA をキャプチャーするランダム配列のプローブがナノスケールでスポットされており、mRNA だけでなく lncRNA や細菌由来のRNA も組織上での検出を可能にします。従来の空間トランスクリプトーム解析に加え、ノンコーディング RNA の組織における機能解析や、細菌叢と細胞の相互作用といった新たなトランスクリプトーム解析を実現させます。

MiRXES Genomics :

Stereo-seq 受託サービスの公式認定プロバイダー第1号として多数の実績を築いています。日本人スタッフが詳細な技術紹介や実験計画のご相談を承ります。またサンプルブロックからの切片切り出しからNGS 解析までを専門トレーニングを受けたスタッフが実施し、取得したデータのバイオインフォマティクス解析は最新の解析法をカバーしている熟練のスタッフがサポートいたします。切片調製からバイオインフォマティクス解析まで、弊社内でのend-to-end サービスを提供しています。



mRNA、lncRNA、Microbial RNA の網羅的な位置情報を含めた解析

- 全RNAを対象とするランダム配列プローブを使用
- すべての生物種が解析対象



1細胞より詳細なナノスケールスポットの解析チップを使用

- 220 nm の高密度スポットサイズ
- 1細胞 (100 μm^2 換算) あたり 400 スポットの解像度



経験に基づいたさまざまなサンプル処理技術

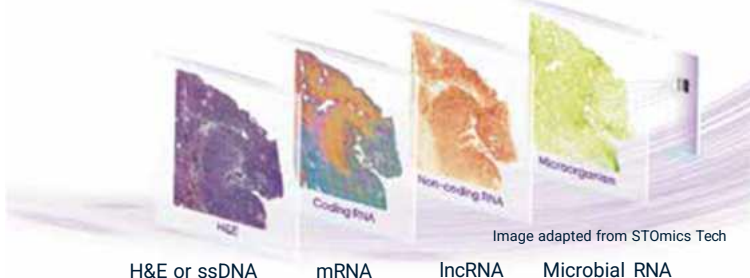
- 多数の組織生物種の解析実績
- 解析用の切片上で核染色またはH&E 染色を行うことが可能



経験豊富なバイオインフォマティクスチームのサポート体制

- 事前相談で最適なお提案
- ニーズに応じたデータ解析サポート

一枚の組織切片から複数の情報レイヤーを得られます



H&E or ssDNA

mRNA

lncRNA

Microbial RNA

この機会にぜひ高解像度の空間トランスクリプトーム解析
Stereo-seq FFPE 受託
サービスをお試しください

注文番号 : SVCG1561

サービス名 : 1cm x 1cm chip FFPE Stereo-seq Full Service (≥ 3B reads)

通常希望価格 ¥1,600,000 を

税込

¥992,000

(¥901,818+ 税) でご提供！

1 ユーザー様 4 チップ (サンプル) までの限定価格です。

サンプル

FFPE
(ホルマリン固定
パラフィン包埋)
サンプル *対応チップ
サイズおよび
推定データ量1 cm x 1 cm
(30 億 raw reads)

シーケンサー

DNBSEQ-T7

概算納期

切片のチップマ
ウント完了時点
から 4-6 週

納品物

FASTQ ファイル、
バーコード情報
及び QC レポート
等

納品方法

Amazon AWS
経由でデータ納品

注

* 弊社では FFPE サンプル以外にも、凍結組織サンプルの解析も承っております。詳細はお問い合わせください。

- ご送付いただくサンプルの種類や内容によってはお受けできない場合、または追加料金がかかる場合がございます。お問い合わせください。
- 実際のデータ量はサンプルの品質により異なる場合がございます。

- サンプルのシンガポールへの発送に伴う諸費用はお客様でご負担ください。
- Amazon AWS 設定・データ保管などに伴う諸費用は価格に含まれておりません。
- 本キャンペーンは予告なしに終了する可能性があります。

バイオインフォマティクス解析サポート

1 次解析パッケージ

(キャンペーン費用に含まれています)

- FastQ Files
- Stained Tissue Image(s)
- Barcode to Position Mapping File
- QC Statistics

2 次解析パッケージ

(要追加料金、推奨)

- データマッピングソフト「STEREO-MAP」
に表示するためのデータ変換含む
- QC statistics and Spatial Barcodes Maps
 - Sequence Alignment Maps
 - Gene Count Matrix

3 次解析パッケージ

(要追加料金、ご相談ください)

Host and microbial

- Spatial Gene Expression Cluster Analysis
- Spatial Copy Number Variation
- Trajectory Inference
- Cellular Neighbourhood Analysis
- Co-localization Analysis
- Many other options upon request!

MiRXES Japan 株式会社
mirxesjapan.com〒100-0005 東京都千代田区丸の内 1-8-3
丸の内トラストタワー本館 20 階お問い合わせ先 <https://mirxesjapan.com/contact/>

特別な明示が無い限り、MiRXES の製品は研究目的にのみ提供され、治療・診断・検査に用いることは出来ません。本広告に記載されている商品名等は、特に記載はなくても各社の商標、または登録商標です。

販売代理店